

# Modélisation de la dérive génétique

<https://www.pedagogie.ac-nice.fr/svt/productions/derive-diplo/index.htm>

## Écran 1 :

### Dérive génétique, modèle diploïde

**Paramétrage du modèle**

**Paramètres globaux :**  
 Nombre d'individus (de 4 à 100) :   
 Nombre initial d'allèles (de 2 à 5) :

**Définition des allèles :**

N°	Nom	Couleur
1	A	
2	B	
3	O	

**Paramètres avancés :**  
 Probabilité de mutation (%) :   
 Garantir la présence des deux sexes :

**OK**

En fonction de ce que l'on souhaite vérifier :

- Choisir le nombre d'individus
- Choisir le nombre d'allèles
- Possibilité d'introduire des mutations

Puis cliquer sur OK

## Écran 2 :

**Dérive génétique, modèle diploïde**

**Légende des symboles:**

- organisme femelle
- organisme mâle
- gamète femelle
- gamète mâle

**Légende des allèles:** A, B, O

**Fréquences pour la génération n°0 :**

Allèle	Nombre	Fréquence	Disparu à la génération n°
A	6	33.3%	---
B	6	33.3%	---
O	6	33.3%	---

**Evolution de la fréquence des allèles au cours du temps**

Graphique: Fréquence (%) vs Générations

Contrôles: Fécondation, lent, rapide, 10x, retour à l'écran 1, paramètres

Pour lancer la reproduction d'un couple

Pour obtenir une nouvelle génération complète

Pour obtenir 10 générations successives

Pour ne pas visualiser l'étape « fécondation »

Pour régler la vitesse du processus

Pour revenir à l'écran 1

Pour remettre à zéro avant de relancer une nouvelle modélisation sans changer les paramètres

**Les résultats**